

CÓDIGO	PRESTACIÓN	METODOLOGÍA	TIPO DE MUESTRA	DÍAS DE PROCESO	TIEMPO DE ENTREGA DE RESULTADOS EN DÍAS HÁBILES
1524	INMUNOTIPIFICACION POR CITOMETRIA DE FLUJO	CITOMETRIA DE FLUJO	MO O SP C/EDTA.	LU, MA, MI, JU, VI	3
1522	EVALUACION DE EMR POR CITOMETRIA DE FLUJO	CITOMETRIA DE FLUJO	MO O SP C/EDTA.	LU, MA, MI, JU, VI	3
2730	PANEL MIELOIDE NGS - ONCOHEMATOLOGIA *	SECUENCIACION NGS	SANGRE O MEDULA EN TUBO TEMPUS	LU	23
5561	CARIOTIPO EN MEDULA OSEA	BANDEO G/ANALISIS CITOGENETICO	MEDULA OSEA + HEPARINA	LU, MA, MI, JU, VI	1
3561	CARIOTIPO EN SANGRE PERIFERICA	BANDEO G/ANALISIS CITOGENETICO	SANGRE ENTERA + HEPARINA	LU, MA, MI, JU, VI	16
7288	FISH ONCOHEMATOLOGIA	FISH	SANGRE O MEDULA OSEA CON HEPARINA	MA, VI	28
2463	FISH - PANEL LMA **	FISH	SANGRE O MEDULA OSEA CON HEPARINA	LU, MA, MI, JU, VI	18
2630	FISH T(8,21)(AML1,ETO)	FISH	SANGRE O MEDULA OSEA CON HEPARINA	LU, MA, MI, JU, VI	18
2629	FISH T(15,17)(PML,RARA)	FISH	SANGRE O MEDULA OSEA CON HEPARINA	LU, MA, MI, JU, VI	18
2610	FISH 11Q23/GEN MLL	FISH	SANGRE O MEDULA OSEA CON HEPARINA	LU, MA, MI, JU, VI	18
2628	FISH INV(16)(CBFB;MYH11)	FISH	SANGRE O MEDULA OSEA CON HEPARINA	LU, MA, MI, JU, VI	18
2631	FISH CROMOSOMA 8	FISH	SANGRE O MEDULA OSEA CON HEPARINA	LU, MA, MI, JU, VI	18
4202	REARREGLO PML-RAR CUALITATIVO (T15,17)	REAL TIME RT-PCR	MO o SP c/EDTA.	LU, MA, MI, JU, VI	2
4202	REARREGLO PML-RAR CUALITATIVO (T15,17)	REAL TIME RT-PCR	MO o SP c/EDTA.	LU, MA, MI, JU, VI	2

4214	REARREGLO MLL-AF9 (T9,11)	REACCION EN CADENA DE POLIMERASA (PCR)	MO o SP c/EDTA.	LU, JU	4
2900	REARREGLO CBFB-MYH11 (INV.16, T16,16)	REAL TIME PCR	MO o SP c/EDTA.	LU, MA, MI, JU, VI	5
4224	MUTACIONES EN EL GEN CEBPA	PRUEBA UNICA	MO o SP c/EDTA.	MI	9
5560	MUTACIONES EN EL GEN FLT3	SECUENCIACIO N Y ANALISIS DE FRAGMENTOS	SANGRE ENTERA+EDTA	MI	9
5569	MUTACIONES EN EL GEN DE LA NUCLEOFOSMI NA (NPM1)	SECUENCIACIO N	SANGRE ENTERA+EDTA	MI	9
2158	MUTACIONES GEN KIT(EXONES 9 11 13 Y 17) - BIOPSIA	SECUENCIACIO N	BIOPSIA	MA	8
2410	MUTACIONES EN IDH1/2 - BIOPSIA	SECUENCIACIO N SANGER	BIOPSIA	MI	9
2983	MUTACIONES EN GEN GATA1 - EXON 2	SECUENCIACIO N	MO o SP c/EDTA.	MI	7
7077	MUTACIONES EN GEN TP53 (EX04 A EX10)	SECUENCIACIO N	MO o SP c/EDTA.	MI	15